



ФИО пациента:  
Страховой полис:  
Заказчик:

Дата рождения:  
Пол:

Вид биоматериала: Секрет простаты

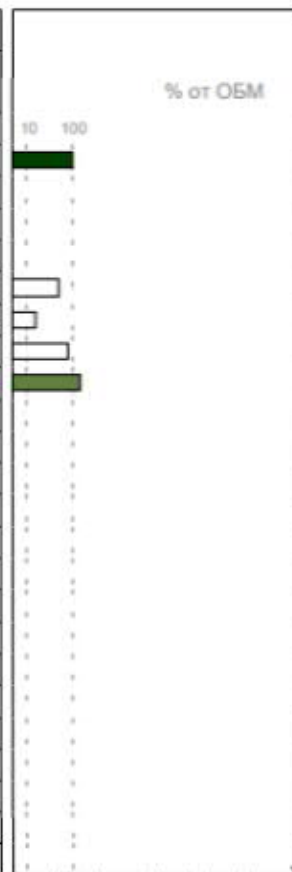
№ ИБ:  
Дата поступления:

**Результат исследования в доставленной пробе**

**ПЦР исследование бактериальных и вирусных инфекций**

Номер штрих-кода: 0301247014803

| №                                               | Название исследования                       | Результат      |                          |
|-------------------------------------------------|---------------------------------------------|----------------|--------------------------|
|                                                 |                                             | Количественный | Относительный Lg(X/ОЕМ)  |
|                                                 | Геномная ДНК человека                       | 10 3.2         | <input type="checkbox"/> |
| 1                                               | Общая бактериальная масса                   | 10 4.3         | <input type="checkbox"/> |
| Транзиторная микрофлора                         |                                             |                |                          |
| 2                                               | Lactobacillus spp.                          | не выявлено    | <input type="checkbox"/> |
| Нормофлора                                      |                                             |                |                          |
| 3                                               | Staphylococcus spp.                         | 10 4.9         | -0.3 (43-58%)            |
| 4                                               | Streptococcus spp.                          | 10 3.5         | -0.8 (13-18%)            |
| 5                                               | Corynebacterium spp.                        | 10 4.2         | -0.1 (68-91%)            |
|                                                 | Сумма: Нормофлора                           | 10 4.5         | 0.2 (85-100%)            |
| УПМ, ассоциированные с баквагинозом             |                                             |                |                          |
| 6                                               | Gardnerella vaginalis                       | не выявлено    | <input type="checkbox"/> |
| 7                                               | Ureaplasma urealyticum *                    | не выявлено    | <input type="checkbox"/> |
| 8                                               | Ureaplasma parvum *                         | не выявлено    | <input type="checkbox"/> |
| 9                                               | Mycoplasma hominis *                        | не выявлено    | <input type="checkbox"/> |
|                                                 | Сумма: УПМ, ассоциированные с баквагинозом  | не выявлено    | <input type="checkbox"/> |
| УПМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp. |                                             |                |                          |
| 10                                              | Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp. | не выявлено    | <input type="checkbox"/> |
| Дрожжевые грибы                                 |                                             |                |                          |
| 11                                              | Candida spp. *                              | ниже ПЗ ***    | <input type="checkbox"/> |
| Патогены                                        |                                             |                |                          |
| 12                                              | Mycoplasma genitalium **                    | не выявлено    | <input type="checkbox"/> |
| 13                                              | Trichomonas vaginalis **                    | не выявлено    | <input type="checkbox"/> |
| 14                                              | Neisseria gonorrhoeae **                    | не выявлено    | <input type="checkbox"/> |
| 15                                              | Chlamydia trachomatis **                    | не выявлено    | <input type="checkbox"/> |



## Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;
- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса - ОБМ), нормофлоры и условно-патогенных микроорганизмов; Термин "УПМ, ассоциированные с баквагинозом" используют для обозначения группы микроорганизмов, впервые выявленных у женщин. В настоящее время доказана роль этих микроорганизмов в развитии урогенитальных заболеваний у мужчин\*.
- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах (ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности урогенитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ (Lg10) и в процентах (%) от ОБМ. Значения показателей в процентах (%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты (%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микоплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза.

Для удобства трактовки результатов\*\* в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

**Контрольные показатели** (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, транзитная микрофлора):

- ☐ - соответствие критериям
- ☒ - не соответствие критериям

**Нормофлора (сумма):**

- ☒ - соответствие критериям нормы
- ☒ - умеренное отклонение от критериев нормы
- ☒ - выраженное отклонение от критериев нормы

**УПМ и дрожжеподобные грибы:**

- ☐ - соответствие критериям нормы
- ☒ - умеренное отклонение от критериев нормы
- ☒ - выраженное отклонение от критериев нормы

**Патогены:**

- ☐ - не выявлено
- ☒ - обнаружено

Результат, в котором значение показателя ОБМ ниже порогового значения сочетается со значением показателя «Геномная ДНК человека» выше порогового значения, трактуется как нормальное состояние микробиома. В этом случае цветовая маркировка в бланке результатов отсутствует.

Дополнительно с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.

Исследование выполнил:

Зам. Директора по медицинской части Слуцкий Е. А.

Дата выполнения исследования:

